



# MYLA<sup>®</sup>

## MODULE STATISTIQUES



**PIONEERING DIAGNOSTICS**

# MYLA<sup>®</sup> Module Statistiques – DWH 4.5

## Sommaire

### CONTROLE DES INFECTIONS



#### • Dédoublonnage ONERBA

#### RAPPORTS

- Infections liées aux soins
- BMR
- BMR par patient
- Antibiogramme
- Cumulatif par interprétation
- Cumulatif par CMI
- Export ID/AST
- Occurrence du germe
- Occurrences de phénotypes

# MYLA<sup>®</sup> Module Statistiques – DWH 4.5

## Sommaire

### SUIVI DE LA QUALITE DES HEMOCULTURES



#### RAPPORTS

- Indicateurs du QUAMIC
- Contaminants hémoculture
- Volume d'hémoculture
- Taux de positivité
- Temps de détection
- Utilisation des flacons
- Occurrence du germe

### ACTIVITE DU LABORATOIRE



- Occurrence de tests
- Activité globale



## DEDOUBLONNAGE ONERBA\*

La gestion des doublons d'isolats se conforme aux directives de l'ONERBA. Elle est disponible dans les 4 rapports suivants:



**Période de référence minimale = 14 J**

**Recommandation ONERBA**

**Exclusion possible en fonction du type de prélèvement et/ou du service**

**Modifier le seuil mini. d'isolats**

MYLA® peut être configuré pour inclure les résultats si l'identification de l'organisme est la même et s'il y a des différences dans les résultats AST ultérieurs:

- **Une différence Majeure** = interprétation passant de S ↔ R pour un antibiotique.
  - Entre 1 et 3 différences majeures possibles.
- **Une différence Mineure** = interprétation passant de S ↔ I ou I ↔ R pour un antibiotique.
  - Entre 0 et 5 différences mineures possibles.

\* **ONERBA** : Observatoire national de l'épidémiologie de la résistance bactérienne aux antibiotiques.



## INFECTIONS LIEES AUX SOINS



Etablir la liste des suspicions d'infections liées aux soins sur une période donnée.

Une suspicion d'infection liée aux soins est définie comme la détection et l'identification d'un germe au moins 48 heures après la date et heure d'admission du patient.

□ 1 format



Données disponibles après 21H

### Exemple

Présomption d'infection liée aux soins. Identification détectée 48h après l'admission			
PATIENT : G20110927852		ISOLAT : 8090507065-1	
Nom	AUBERT	Prénom	JEAN
Sexe	M	Date de naissance	26/05/1927
Etablissement	07	Service	CG SERVICE ERVE
Chambre	Non spécifié	Date d'admission	15/06/2020
IDENTIFICATION			
ID germe	8090507065-1		
Type de prélèvement	Urines		
Date de prélèvement	05/09/2020 09:13:54		
Germe	Enterococcus faecalis		
ANTIBIOGRAMME			
Antibiotique	Famille d'antibiotiques	Valeur	Interprétation
Ampicilline	BÊTA-LACTAMINES	<= 2	S
Lévofloxacine	QUINOLONONES	= 0,5	S
Moxifloxacine	QUINOLONONES		(-)
Linézolide	OXAZOLIDINONE	= 2	S
Téicoplanine	GLYCOPEPTIDES	<= 0,5	S
Vancomycine	GLYCOPEPTIDES	<= 0,5	S
Tétracycline	TÉTRACYCLINES		(-)
Nitrofurantoïne	FURANES	<= 16	S
Chloramphénicol	PHÉNICOLONES	= 8	S



## BMR

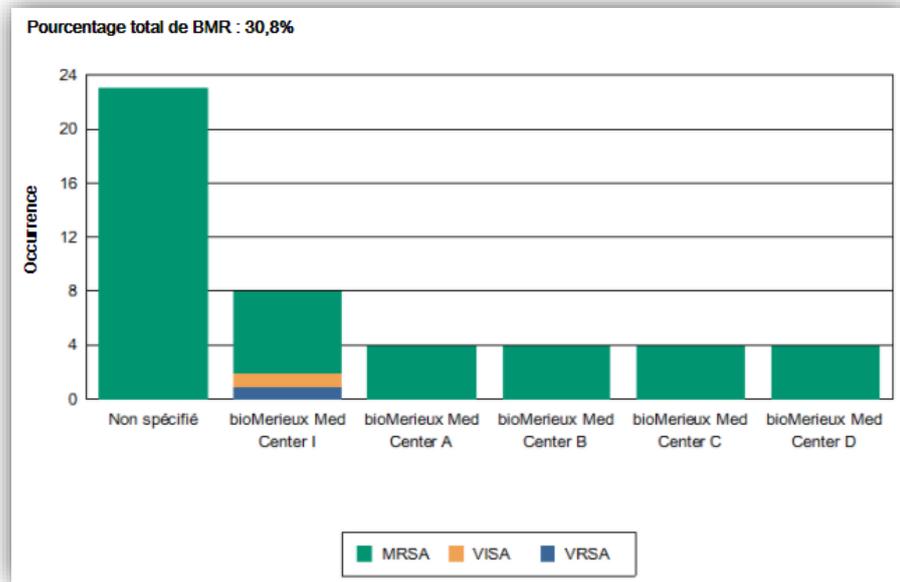
Détecter et **notifier des patients avec un germe multi-résistant.**

3 formats

*Revue BMR obligatoire*  
*Données disponibles après 21H*

### Exemples

➤ Quelle est la répartition des **Staphylococcus multi-résistants** pour chaque établissement?



➤ Quel est le nombre de **SARM** par patient et par prélèvement pour le 1<sup>er</sup> trimestre ?



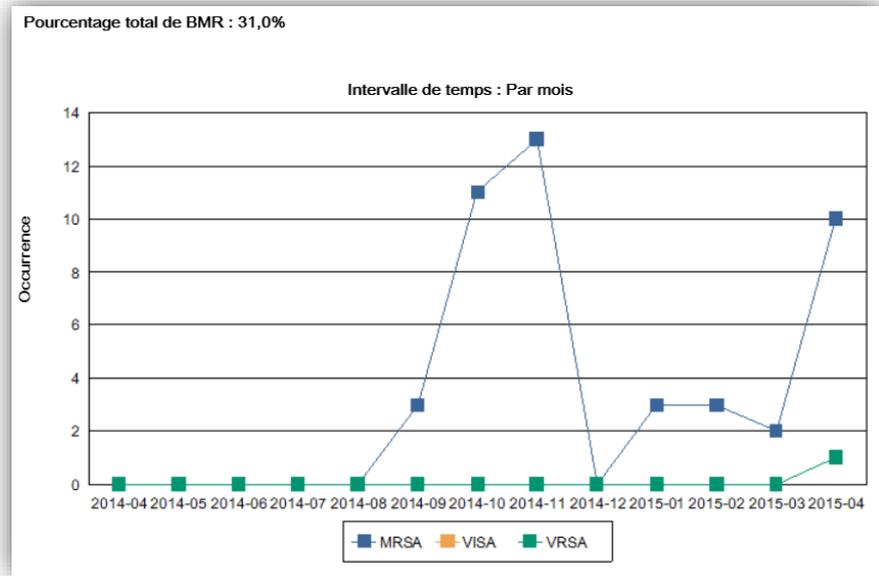
		BMR
Staphylococcus aureus Résistant à la Métilciline: MRSA	Os	2
	Autre	1
	Hémoculture	1
	Peau	1
	Urines	1
	<b>Total</b>	<b>4</b>

PATIENT: Nom: [REDACTED] Prénom: BERNARD ID Patient: 68395 Date de naissance: 22/05/1951						
Service	Date d'admission	ID germe	Date de prélèvement	Type de prélèvement	Germe	Type de BMR
POLYCLINIQUE DU PARC	22/06/2015	1706237219-1	23/06/2015 16:32:00	Autre	Staph.aureus	MRSA
POLYCLINIQUE DU PARC	22/06/2015	1406237219-1	23/06/2015 16:32:00	Os	Staph.aureus	MRSA



# CONTROLE DES INFECTIONS

- Quelle est l'évolution des Staphylococcus multi-résistants sur une année ?



## BMR PAR PATIENT



Extraire une liste de patients, pour lesquels une BMR a été détectée et validée.

- ☐ 1 format



*Revue BMR obligatoire  
Données disponibles après 21H*

Exemple

- Quelle est la liste de patients ayant un BMR sur un jour X, par service ?

	Nb. total	
	Patients	Types d'échantillon
MRSA	1	1
VRE	1	1

Patient : Nom : Kerschner, William Prénom : ID patient : FMS20010						
Date de prélèvement	ID prélèvement	Service	Type d'échantillon	Germe	Type de BMR	
21/01/2015 08:00:00	F213048B-1	Surgery	Respiratoire	K.aerogenes	CARBA R ENTEROBACTER	
21/01/2015 07:42:00	F225922B-1	Surgery	Respiratoire	K.aerogenes	CARBA R ENTEROBACTER	

Patient : Nom : Kipps, Sally Prénom : ID patient : FMS20011						
Date de prélèvement	ID prélèvement	Service	Type d'échantillon	Germe	Type de BMR	
21/01/2015 01:00:00	F28739B-2	Urology	Hémoculture	Esch.coli	ESBL E COLI	
21/01/2015 01:00:00	F28739B-1	Urology	Hémoculture	Entero.faecalis	VRE	

Patient : Nom : Sebeck, Pam Prénom : ID patient : FMS20008						
Date de prélèvement	ID prélèvement	Service	Type d'échantillon	Germe	Type de BMR	
21/01/2015 06:32:00	F229213B-1	Emergency	Urines	Staph.aureus	MRSA	



## ANTIBIOGRAMME

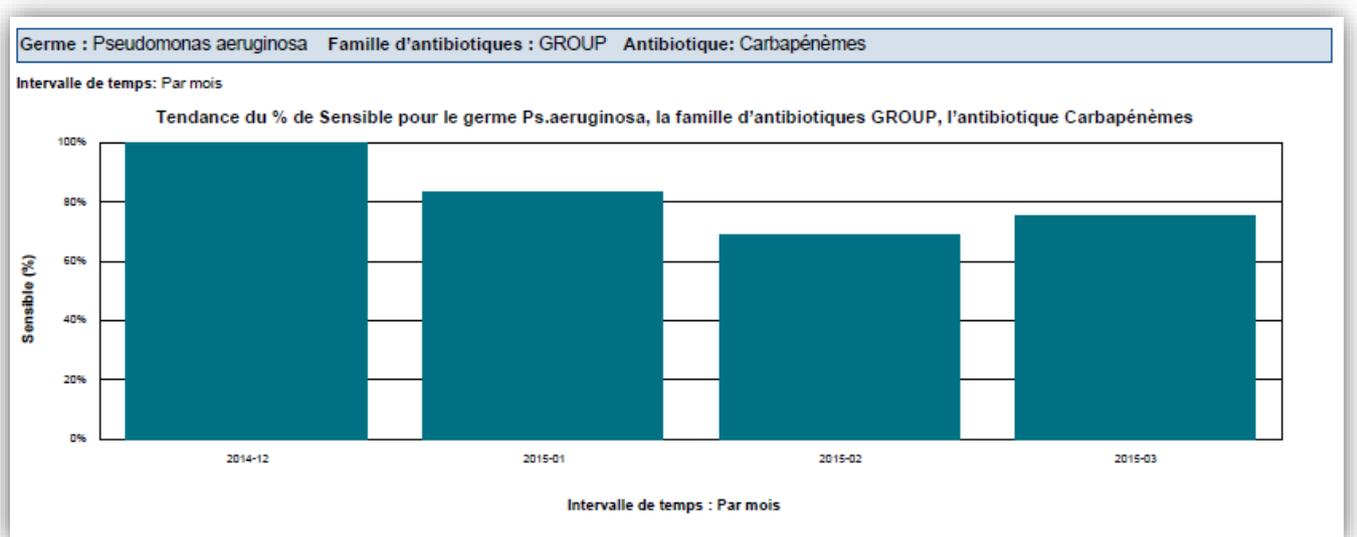
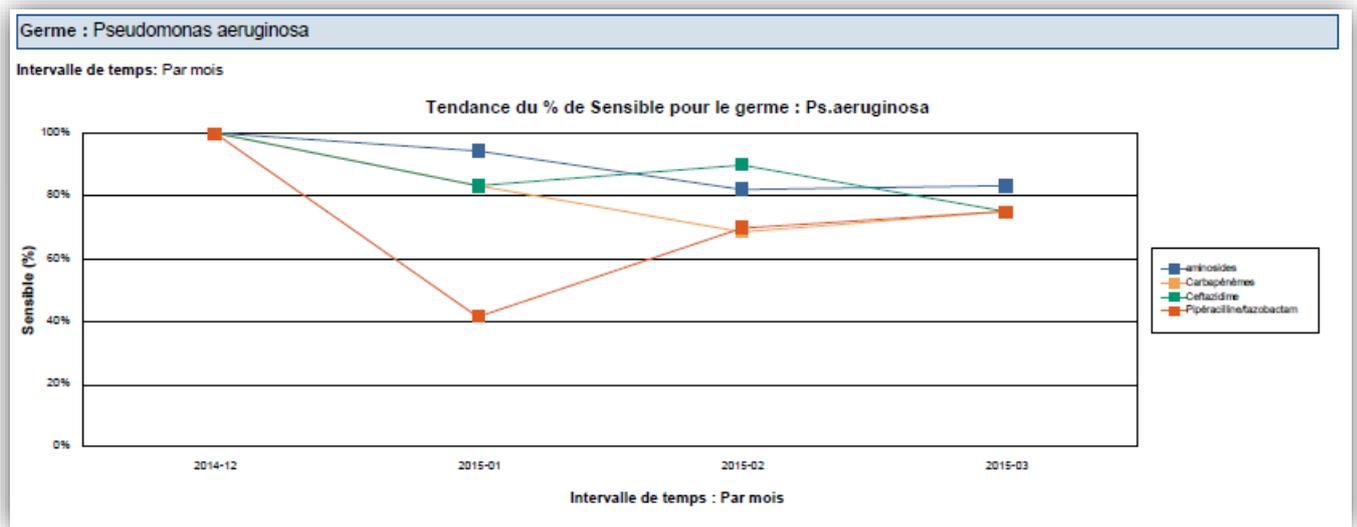


Faire une analyse de tendance sur les % de sensibilité ou de résistance sur une période donnée et sur différents critères: germes, établissements, catégories de prélèvement.

□ 6 formats

### Exemples

- Quelle est l'évolution de la sensibilité aux antibiotiques du *Pseudomonas aeruginosa* pour les carbapénèmes, les aminosides, la ceftazidime et la pipéracilline/tazo ?





## ANTIBIOGRAMME

### Exemples

- Quel est le pourcentage de sensibilité des germes aux molécules par établissement ?



Par germe et service format 2

➔ Catégories à reporter

Etablissement : bioMerieux Med Center | Tous les services

Pourcentage de BMR : 63%

	Entero.faecalis (3)		Esch.coli (2)		K.pneum.pneumoniae (2)		Proteus mirabilis (1)	
	S (%)	Total ATB	S (%)	Total ATB	S (%)	Total ATB	S (%)	Total ATB
<b>Benzylpénicilline</b>	100 %	2						
Ampicilline	100 %	3	50 %	2				
Ampicilline/sulbactam			50 %	2	0 %	2	100 %	1
Pipéracilline/tazobactam			50 %	2	50 %	2		
Céfazoline			50 %	2	0 %	2	100 %	1
Ceftazidime			50 %	2	0 %	2	100 %	1
Ceftriaxone			50 %	2	0 %	2	100 %	1
Céfépime			50 %	2	0 %	2	100 %	1
Ertapénème			100 %	2	50 %	2	100 %	1
Imipénème			100 %	2	50 %	2		
Gentamicine à haute concentration	33 %	3						
Streptomycine à haute concentration	33 %	3						
Gentamicine			50 %	2	50 %	2	100 %	1
Tobramycine			50 %	2	50 %	2	100 %	1
Ciprofloxacine	67 %	3	100 %	2	100 %	2	100 %	1
Lévofloxacine	67 %	3	100 %	2	100 %	2	100 %	1
Erythromycine	0 %	3						



par germe et service

Germe : Enterococcus faecalis

Pourcentage de BMR : 60%

% de Sensible pour le germe : Entero.faecalis

	Total	% de Sensible														
		Benzylpénicilline	Ampicilline	Ciprofloxacine	Lévofloxacine	Norfloxacine	Erythromycine	Quinupristine/dalfopristine	Linézolide	Daptomycine	Vancomycine	Mirocycline	Tétracycline	Tigécycline	Nitrofurantoïne (ATB™, FT01)	Chloramphénicol
AssistLvg	Total ATB	77	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7
	Total S	56	7	7	7	7	0	0	0	0	0	0	7	7	7	7
	S (%)	73%	100%	100%	100%	100%	0%	0%	100%	0%	0%	0%	100%	100%	100%	100%
Emergency	Total ATB	121	11	11	11	11	11	11	11	11	11	11	11	11	11	11
	Total S	88	11	11	11	11	0	0	11	0	0	0	11	11	11	11
	S (%)	73%	100%	100%	100%	100%	0%	0%	100%	0%	0%	0%	100%	100%	100%	100%
FamilyMed	Total ATB	22	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2
	Total S	16	2	2	2	2	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2
	S (%)	73%	100%	100%	100%	100%	0%	0%	100%	0%	0%	0%	100%	100%	100%	100%
IntensiveC	Total ATB	11	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
	Total S	8	1	1	1	1	0	0	1	0	0	0	1	1	1	1
	S (%)	73%	100%	100%	100%	100%	0%	0%	100%	0%	0%	0%	100%	100%	100%	100%
LongTermC	Total ATB	11	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
	Total S	8	1	1	1	1	0	0	1	0	0	0	1	1	1	1
	S (%)	73%	100%	100%	100%	100%	0%	0%	100%	0%	0%	0%	100%	100%	100%	100%
OB/GYN	Total ATB	98	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8
	Total S	69	8	8	8	8	0	0	8	0	0	0	8	8	8	8
	S (%)	70%	100%	100%	89%	89%	0%	0%	100%	100%	89%	0%	100%	100%	100%	100%
Oral Surg	Total ATB	77	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7
	Total S	36	7	7	0	0	0	0	0	0	0	0	7	7	7	7
	S (%)	45%	100%	100%	0%	0%	0%	0%	100%	0%	0%	0%	100%	100%	100%	100%
Orthoped	Total ATB	22	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2
	Total S	16	2	2	2	2	0	0	0	0	1	0	2	2	2	2
	S (%)	73%	100%	100%	100%	100%	0%	0%	100%	50%	50%	50%	100%	100%	100%	100%



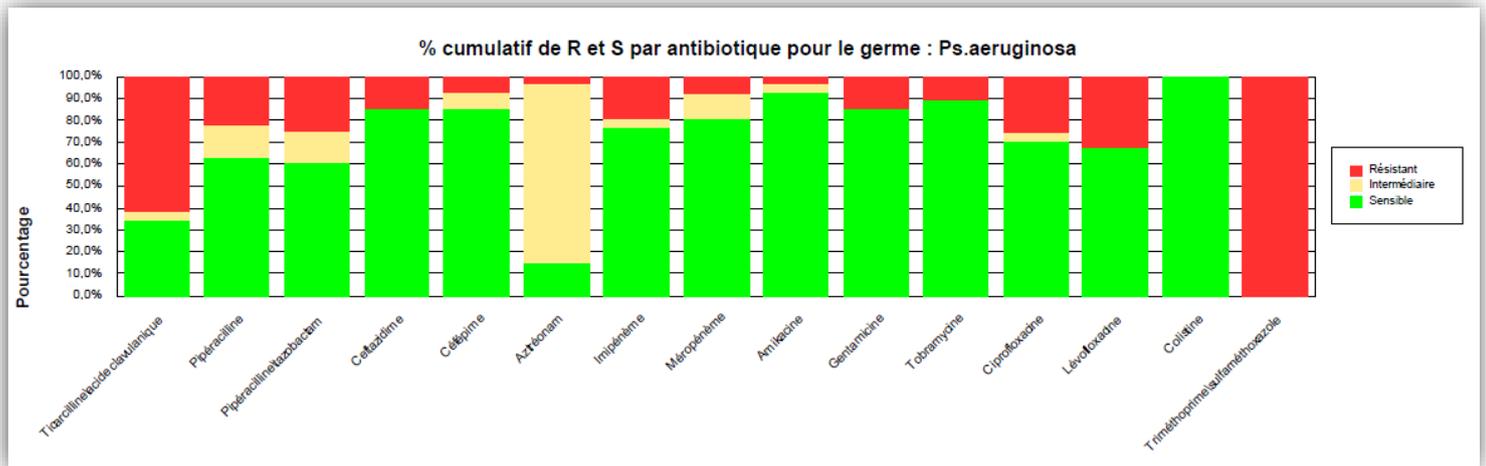
## CUMULATIF PAR INTERPRETATION

 **Extraire par germe la proportion des résultats S / I ou R sur des molécules et une période donnée. Donne une vue consolidée de l'efficacité des molécules.**

1 format

### Exemple

➤ Quelle est la sensibilité aux antibiotiques des *Pseudomonas aeruginosa* sur une période X ?



	Germe : Ps.aeruginosa			
	Sensible	Intermédiaire	Résistant	Nb. total
Ticarcilline/acide clavulanique	34,6%	3,8%	61,5%	26
Pipéracilline	63,0%	14,8%	22,2%	27
Pipéracilline/tazobactam	60,7%	14,3%	25,0%	28
Ceftazidime	85,7%	0,0%	14,3%	28
Céfépime	85,7%	7,1%	7,1%	28
Aztréonam	14,8%	81,5%	3,7%	27



# CONTROLE DES INFECTIONS

## CUMULATIF PAR CMI

 **Avoir la distribution des valeurs de CMI pour une combinaison germe/antibiotiques** donnée. Permet de suivre l'évolution de la résistance bactérienne dans le temps.

□ 1 format

### Exemple

➤ Quelle est la distribution des CMI par antibiotiques pour E.coli sur une période donnée ?

	Germe : Esch.coli												
	0,125	0,25	0,5	1	2	4	8	16	32	64	128	Total	
	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%	Nb	CMI 50
Ampicilline						41	59	59	100			17	8
Amoxicilline/acide clavulanique						50	88	100				8	<= 4
Ampicilline/sulbactam					18	59	76	94	100			17	4
Ticarcilline											100	3	"
Pipéracilline											100	3	"
Pipéracilline/tazobactam						76	76	76	76	100		17	<= 4
Céfalotine										100		3	"
Céfazoline						59	76	76	76	100		17	<= 4

← Distribution des valeurs de CMI →



Affichage  
CMI 50 et/ou  
CMI 90



# CONTROLE DES INFECTIONS

## EXPORT ID/AST



Exporter des résultats d'identifications et d'antibiogrammes avec les phénotypes de résistance associés, sur une période donnée, en format csv.

### Exemple

➤ Comment réaliser un export pour le **CONSORES** pour l'année 2018 ?

1- renseigner la période et ajuster la mise en page

2- Cliquer sur  **Cliquer sur ce texte pour afficher les résultats.**

3- Exporter en format csv

A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W
1	Last Name	First Name	Sex	Birth Date	Patient ID	Admission date	Discharge date	Institution	Service	Specimen	Category	Category 1 name	Category 2 name	Date collected	Result date	Lab ID	Isolate	MDRO	MDRO	MDRO	Organism	Analysis method
2	Adama, Andrew	M	2/2/1949	DMS50031	9/1/2014	2/28/2015	BMCDC	CriticalC	Blood	BC	Blood culture	toRtoR	toRtoR	10/31/2014 8:39:00 AM	4/30/2014 3:57:23 PM	D54307	1	False			Staphylococcus epidermidis	VITEK® 2 Systems
3	Adama, Andrew	M	2/2/1949	DMS50031	9/1/2014	2/28/2015	BMCDC	CriticalC	Blood	BC	Blood culture	toRtoR	toRtoR	10/31/2014 8:39:00 AM	11/6/2014 2:43:16 PM	D54307	1	False			Staphylococcus epidermidis	VITEK® MS
4	Adama, Andrew	M	2/2/1949	DMS50031	9/1/2014	2/28/2015	BMCDC	CriticalC	Miscellaneous	RC	Respiratory culture	toRtoR	toRtoR	10/31/2014 2:30:00 AM	11/6/2014 2:43:17 PM	D58738	1	False			Staphylococcus epidermidis	VITEK® MS
5	Adama, Andrew	M	2/2/1949	DMS50031	9/1/2014	2/28/2015	BMCDC	CriticalC	Miscellaneous	RC	Respiratory culture	toRtoR	toRtoR	10/31/2014 2:30:00 AM	5/21/2019 11:15:38 AM	D58738	2	False			Staphylococcus aureus	VITEK® MS
6	Adama, Andrew	M	2/2/1949	DMS50031	9/1/2014	2/28/2015	BMCDC	CriticalC	Miscellaneous	RC	Respiratory culture	toRtoR	toRtoR	10/31/2014 2:30:00 AM	5/21/2019 11:15:38 AM	D58738	3	False			Pseudomonas aeruginosa	VITEK® MS
7	Adams, Andrea	F	5/20/1958	FMS30014	9/1/2014	2/28/2015	BMO	FamilyMed	Urine	UC	Urine culture	toRtoR	toRtoR	1/22/2015 5:25:00 AM	11/16/2011 1:52:56 AM	F37002	1	True	CEPH R	CEPHal	Proteus mirabilis	VITEK® 2 Systems
8	Adams, Andrea	F	5/20/1958	FMS30014	9/1/2014	2/28/2015	BMO	FamilyMed	Urine	UC	Urine culture	toRtoR	toRtoR	1/22/2015 5:25:00 AM	4/6/2015 10:15:54 AM	F37002	1	True	CEPH R	CEPHal	Proteus mirabilis	VITEK® MS
9	Adams, Andrea	F	5/20/1958	FMS30014	9/1/2014	2/28/2015	BMO	FamilyMed	Urine	UC	Urine culture	toRtoR	toRtoR	1/22/2015 5:25:00 AM	4/6/2015 12:51:45 PM	F37002	2	False			Escherichia coli	VITEK® MS
10	Adams, Andrea	F	5/20/1958	FMS30014	9/1/2014	2/28/2015	BMO	FamilyMed	Urine	UC	Urine culture	toRtoR	toRtoR	1/22/2015 5:25:00 AM	4/6/2015 2:22:11 PM	F37002	3	False			Staphylococcus aureus	VITEK® MS
11	ADDOCK, Andie	F	11/7/1922	CMS60033	9/1/2014	2/28/2015	Unspecified	Medical	Urine	UC	Urine culture	toRtoR	toRtoR	10/24/2014 2:00:00 AM	5/21/2019 11:15:33 AM	C62592	2	False			Klebsiella aerogenes	VITEK® MS
12	ADDOCK, Andie	F	11/7/1922	CMS60033	9/1/2014	2/28/2015	Unspecified	Medical	Urine	UC	Urine culture	toRtoR	toRtoR	10/24/2014 2:00:00 AM	5/21/2019 11:15:49 AM	C62592	1	False			Staphylococcus aureus	VITEK® MS
13	ADDOCK, Andie	F	11/7/1922	CMS60033	9/1/2014	2/28/2015	Unspecified	Medical	Miscellaneous	WC	Wound culture	toRtoR	toRtoR	10/24/2014 2:20:00 AM	5/21/2019 11:15:33 AM	C62921	1	False			Staphylococcus aureus	VITEK® MS

4- Procéder à l'ajustement selon le format CONSORES

CODE U	N°PATIE	AGE	DATE ADMI	DATE PRE	NATURE PR	BACTERIE	BM	BLSE	CARB	CEPHA	ATB1	ATB2	ATB3	ATB4
FamilyMed	F37002B	5/20/1958	01/09/2014	22/01/2015	Urine	Proteus mirabilis	True			CEPH R ENTERO'ACE	S			R
FamilyMed	F37002B	5/20/1958	01/09/2014	22/01/2015	Urine	Proteus mirabilis	True			CEPH R ENTERO'ACE	I	R	R	S
Medical	C625922V	11/7/1922	01/09/2014	24/10/2014	Urine	Klebsiella aerogenes	False			CEPH R ENTERO'ACE	R			
Medical	C625922V	11/7/1922	01/09/2014	24/10/2014	Urine	Staphylococcus aureus	False			CEPH R ENTERO'ACE	I	R		R
Medical	C629213V	11/7/1922	01/09/2014	24/10/2014	Miscellaneous	Staphylococcus aureus	False			CEPH R ENTERO'ACE	I		I	
Medical	C629213V	11/7/1922	01/09/2014	24/10/2014	Miscellaneous	Klebsiella aerogenes	False			CEPH R E COLI, ESBL	I			R
Peds	A48739B	2/11/2010	01/09/2014	02/10/2014	Urine	Escherichia coli	False			CEPH R E COLI, ESBL	R		R	
Peds	A48739B	2/11/2010	01/09/2014	02/10/2014	Urine	Escherichia coli	False			CEPH R ENTERO'ACE	I	R		
Peds	A48739B	2/11/2010	01/09/2014	02/10/2014	Urine	Staphylococcus aureus	False			CEPH R ENTERO'ACE	R			R

Pour plus de détails, voir procédure jointe: **MYLA\_1901\_EXPORT CONSORES\_VO**

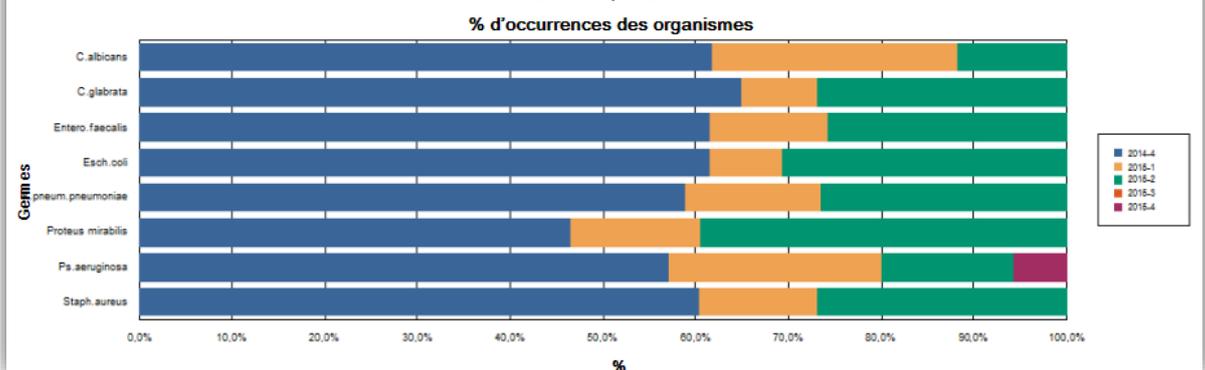
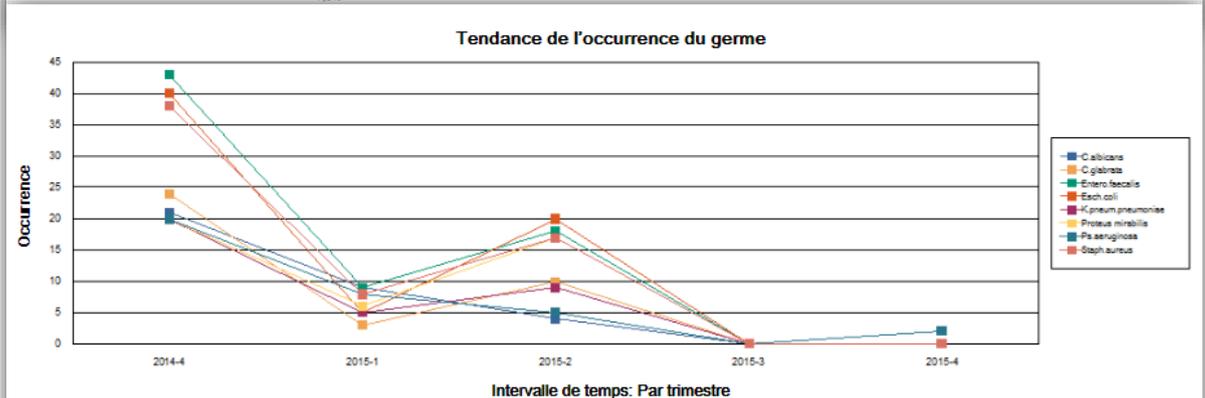
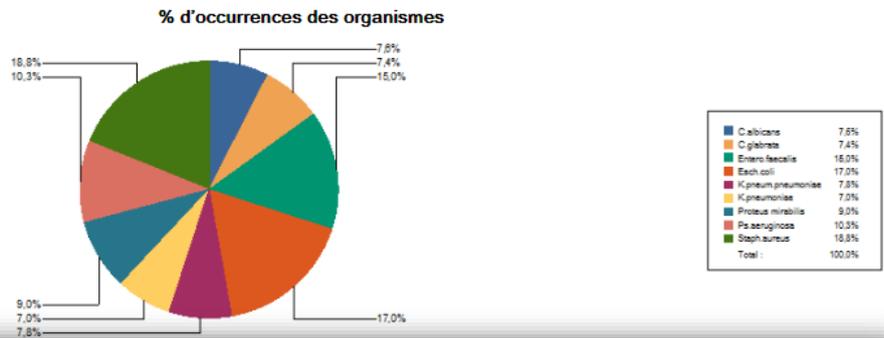
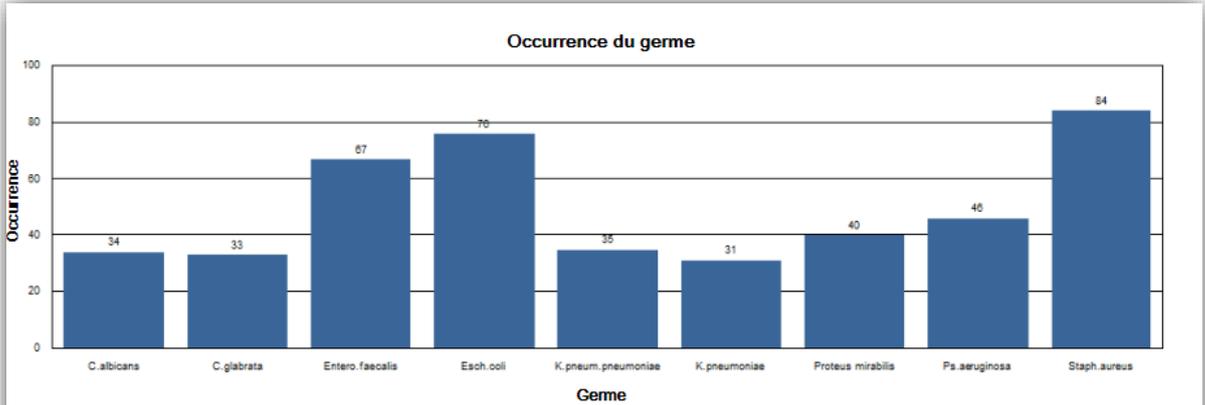


## OCCURRENCE DE GERMES

**Avoir le pourcentage de chaque germe identifié par le laboratoire sur une période donnée. Une analyse de tendance est également possible.**

2 formats

### Exemples



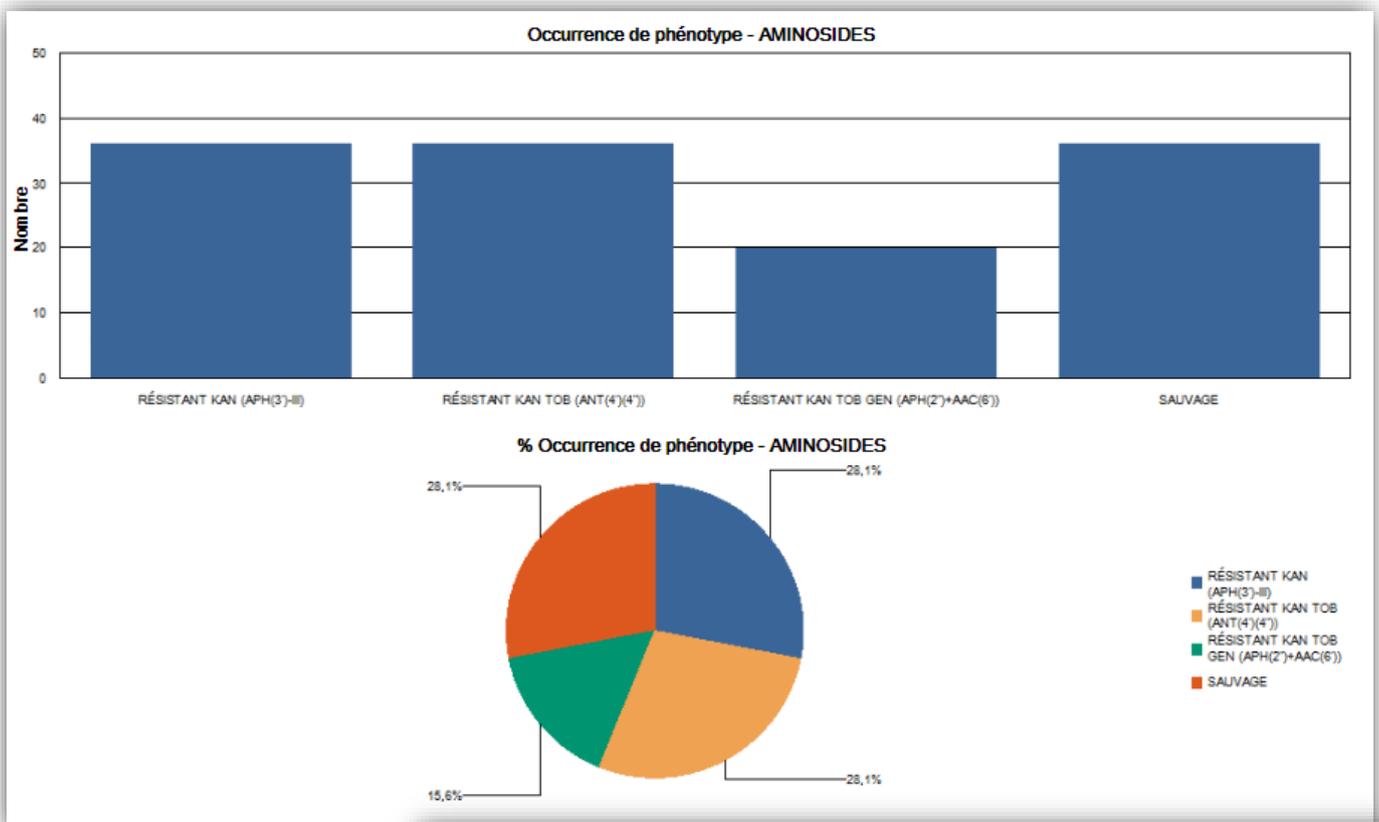


## OCCURRENCE DE PHENOTYPES

**Avoir le pourcentage de chaque phénotype identifié par le système VITEK2 sur une période donnée.**

1 format

### Exemples



		Total	
		Nombre	Pourcentage
BÉTA-LACTAMINES	MODIFICATION DES PLP (mecA)	50	89,3%
	PÉNICILLINASE ACQUISE	6	10,7%
	<b>Total</b>	<b>56</b>	
AMINOSIDES	RÉSISTANT KAN (APH(3)-III)	36	28,1%
	RÉSISTANT KAN TOB (ANT(4)(4*))	36	28,1%
	RÉSISTANT KAN TOB GEN (APH(2*)+AAC(6'))	20	15,6%
	SAUVAGE	36	28,1%
	<b>Total</b>	<b>128</b>	
QUINOLONES	RÉSISTANCE PARTIELLE	8	12,5%
	RÉSISTANT	8	12,5%
	SAUVAGE	48	75,0%
	<b>Total</b>	<b>64</b>	
MACROLIDES/LINCOSAMIDES/STREPTOGRAMINES	MLSb CONSTITUTIVE	19	26,0%
	MLSb+Sa CONSTITUTIVE	1	1,4%
	RÉSISTANT AUX STREPTOGRAMINES (SGA-SGB)	12	16,4%
	SAUVAGE	41	56,2%
	<b>Total</b>	<b>73</b>	
OXAZOLIDINONE	RÉSISTANT	1	1,8%
	SAUVAGE	56	98,2%
	<b>Total</b>	<b>57</b>	
GLYCOPEPTIDES	GISA	1	1,6%
	HETERO-VISA	7	11,1%
	RÉSISTANT (TEC)	6	9,5%
	SAUVAGE	48	76,2%
	VRSA	1	1,6%



MYLA® propose **6 rapports et un compteur de suivi des flacons** qui répondent aux recommandations du QUAMIC\* édition 2019.



- 1 Contaminants hémoculture
- 2 Volume d'hémoculture
- 3 Taux de positivité
- 4 Temps de détection
- 5 Utilisation des flacons
- 6 Occurrence du germe
- 7 Compteur de suivi des flacons



## Rappel

ETAPE DE TRAITEMENT	INDICATEUR	MYLA®	FREQUENCE D'EVALUATION
Pré-analytique	Volume de sang par flacon ou par épisode	2 7	Périodique
	Proportion de contamination ( faux positifs diagnostiques)	1	Périodique
	Taux d'occupation de l'automate, fréquence de saturation de l'automate ( nbr de jours cumulés par exemple)	7	Périodique
Analytique (qualification continue)	Proportion de flacons positifs par compartiment d'automate	7	Trimestrielle
	Epidémiologie de groupes bactériens « sentinelle », à choisir en fonction du recrutement du laboratoire (anaérobies par exemple)	6	Annuelle
	Proportion de faux positifs analytiques	NA	Périodique
Post-analytique	Vérification d'une communication appropriée des résultats aux prescripteurs (à chaque étape du diagnostic, délais, traçabilité)	Oui	Périodique



# SUIVI QUALITE DES HEMOCULTURES

## 1 CONTAMINANTS HEMOCULTURE

Suivre la **proportion de contaminations** des flacons par service et/ou par préleveur (faux positifs diagnostiques).

4 formats



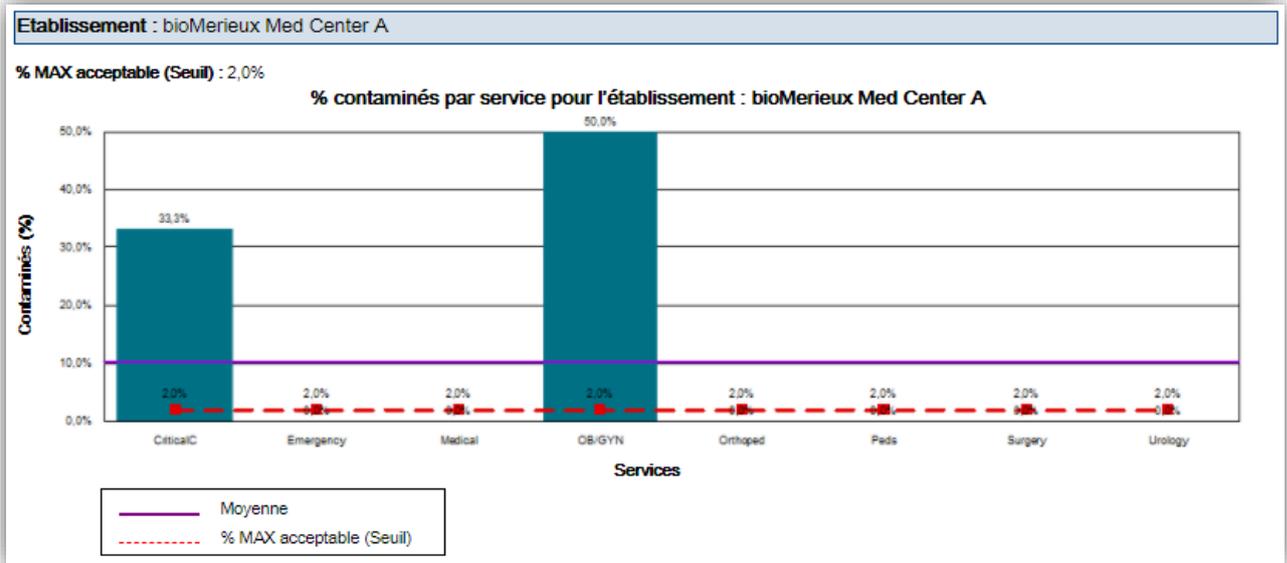
Revue Contaminants obligatoire  
Données disponibles après 21H

### Exemples

➤ Comment mettre en évidence les contaminations des flacons par unité de soins ?



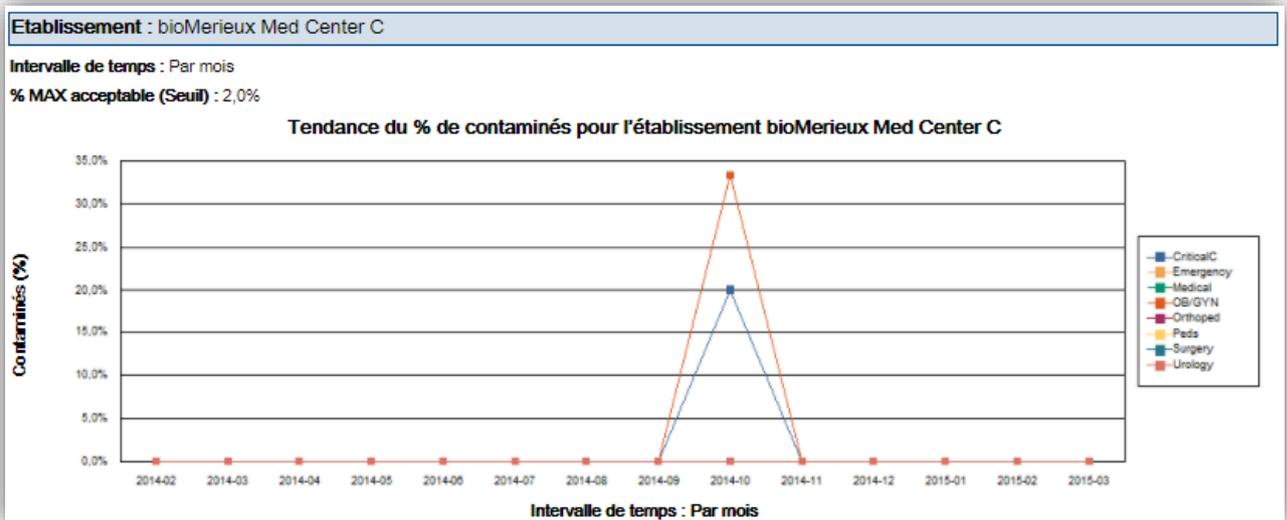
par établissement et service



Taux de contamination maximum acceptable = 2% .



tendance par établissement et service





# SUIVI QUALITE DES HEMOCULTURES

## 2 VOLUME D'HEMOCULTURE

Mesurer et suivre le volume de sang moyen prélevé dans les flacons par service et/ ou par préleveur.

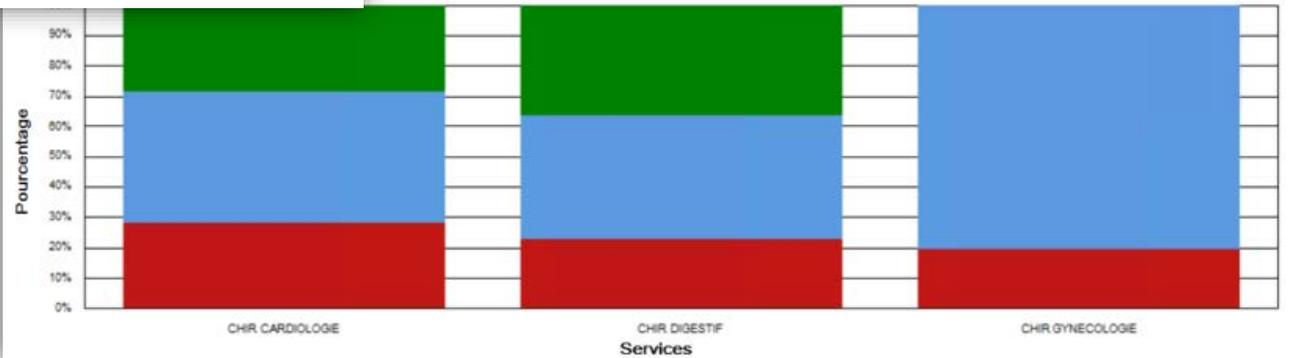
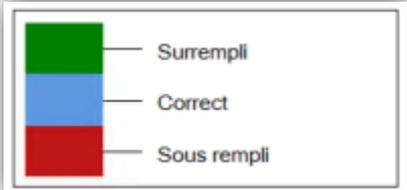
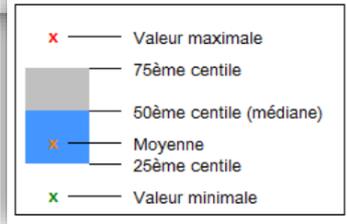
5 formats



Mesure du volume sur l'instrument BACT/ALERT® VITUO®

Exemples

Quelle est la répartition du remplissage des flacons par service ?



	Etablissement : L_IMM													
	Correct		Sous rempli		Surrempli		Répartition des volumes (ml)							
	Nb.	%	Nb.	%	Nb.	%	Nb.	Min.	Max.	Moy.	25%	75%	50%	EI
CARDIO INTERV. et M	24	46,2%	19	36,5%	9	17,3%	52	1,0	23,0	8,6	3,0	11,0	9,0	8,0
CHIR CARDIOLOGIE	27	42,9%	18	28,6%	18	28,6%	63	1,0	20,0	9,0	4,0	14,0	9,0	10,0
CHIR DIGESTIF	25	41,0%	14	23,0%	22	36,1%	61	2,0	21,0	9,6	5,0	13,0	10,0	8,0



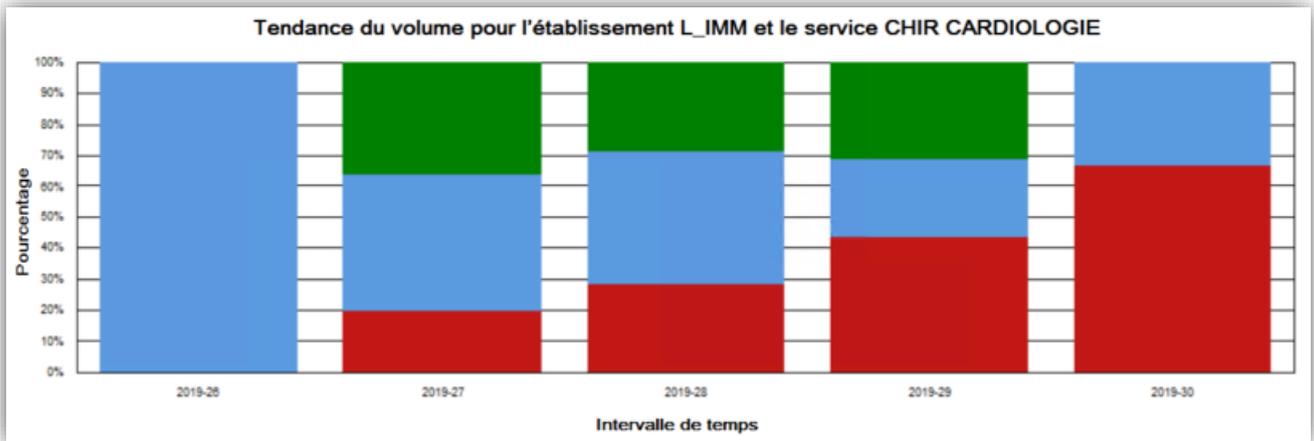
## 2 VOLUME D'HEMOCULTURE

### Exemples

- Quelle est la tendance hebdomadaire du remplissage des flacons pour le service de cardiologie ?



tendance par établissement et service



- Quelle est l'occurrence des différents volumes de sang prélevés ?



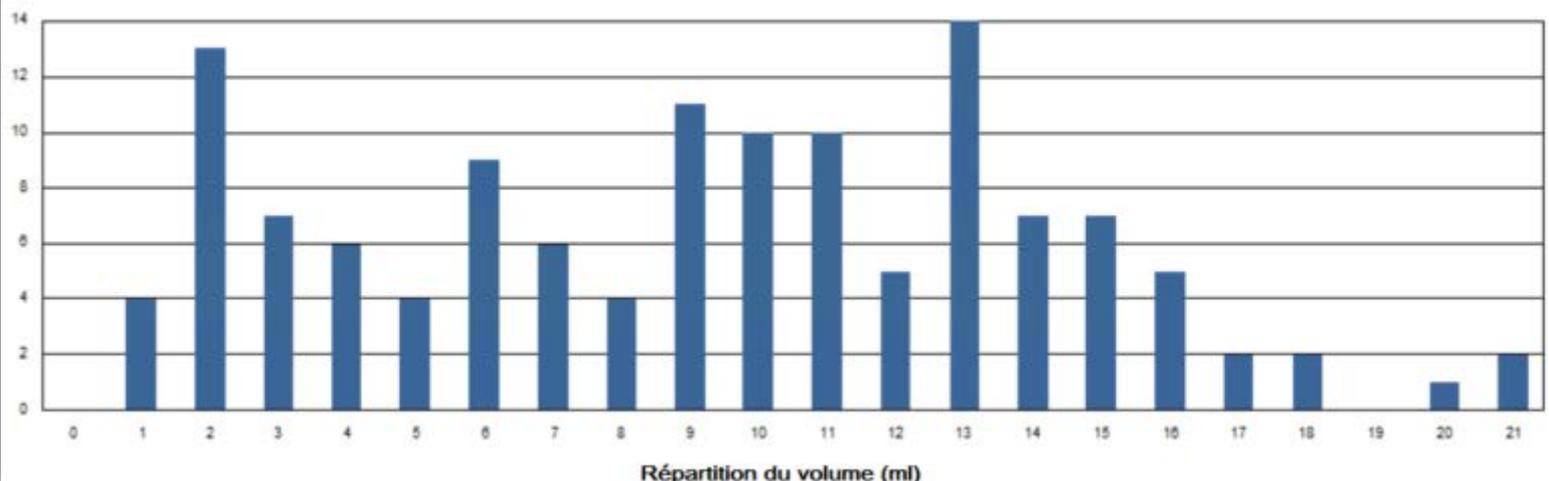
occurrence

	Occurrence	
	Nb.	%
1 - 2	4	3,1%
2 - 3	13	10,1%
3 - 4	7	5,4%
4 - 5	6	4,7%
5 - 6	4	3,1%
6 - 7	9	7,0%



Cliquer sur le diagramme pour obtenir la liste des analyses correspondantes.

Occurrences



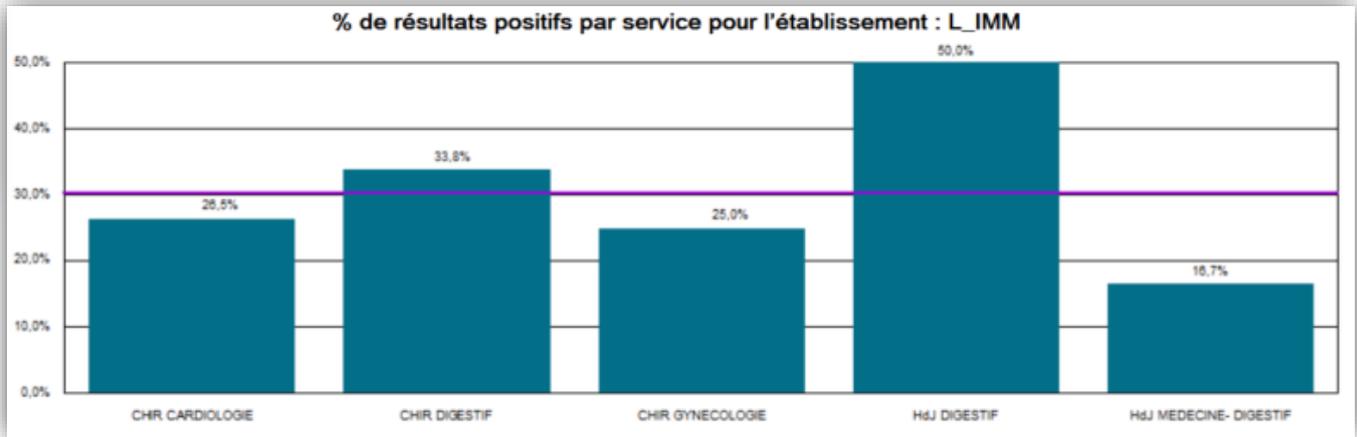


# SUIVI QUALITE DES HEMOCULTURES

## 3 TAUX DE POSITIVITE

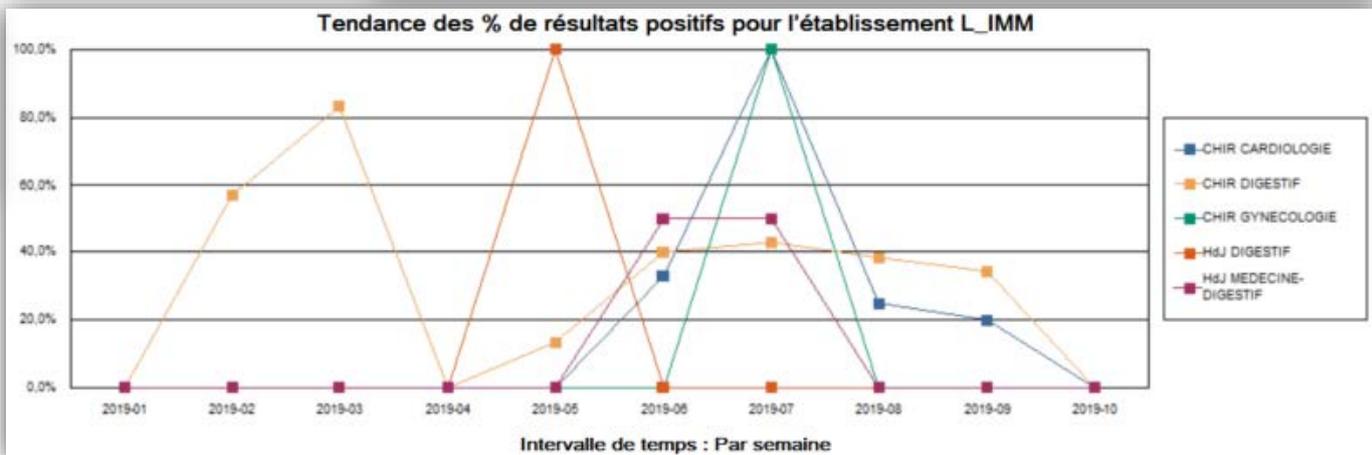
Suivre la **proportion de flacons positifs** par service et par établissement.  
4 formats

### Exemples



Cliquer sur le diagramme pour obtenir la liste des analyses correspondantes.

	Etablissement L_IMM				
	Total	Positif		Négatif	
	Nb	%	Nb	%	Nb
CHIR GYNECOLOGIE	8	25,0%	2	75,0%	6
HdJ DIGESTIF	4	50,0%	2	50,0%	2
HdJ MEDECINE- DIGESTIF	18	16,7%	3	83,3%	15
<b>Total</b>	<b>259</b>	<b>31,7%</b>	<b>82</b>	<b>68,3%</b>	<b>177</b>





# SUIVI QUALITE DES HEMOCULTURES

## 4 TEMPS DE DETECTION

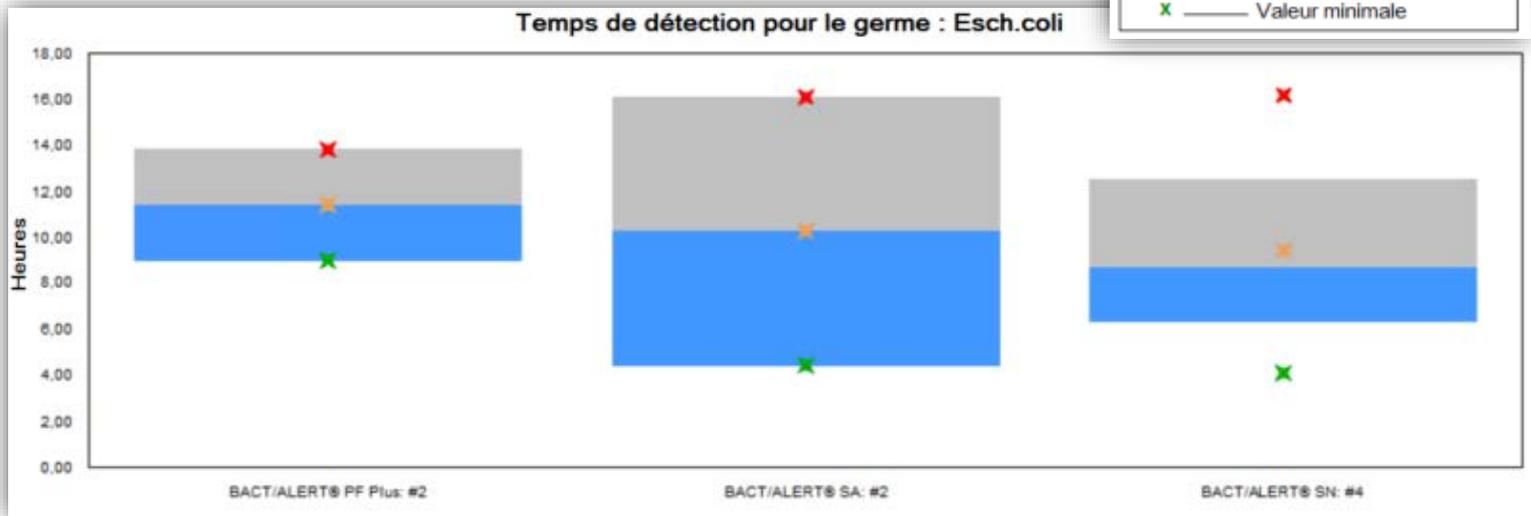
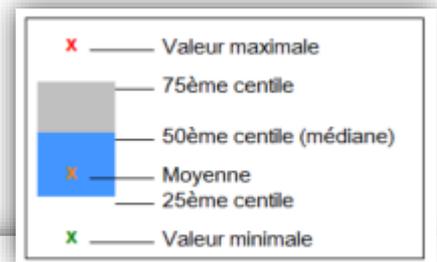
Obtenir le **temps de détection moyen par germe** isolés et par types de flacons d'hémocultures.

□ 1 format

### Exemples

Ajuster les critères de sélection afin d'exploiter le temps de détection:

- par établissement
- par catégories de prélèvement ( voie veineuse, cathéter..)



	Temps de détection par type de flacon. Unité de temps : Heures. Germe : Esch.coli						
	Nb d'isolats	Valeur MIN	Valeur MAX	Moyenne	25%	75%	50%
BACT/ALERT® SN	4	4,09	16,14	9,40	6,33	12,48	8,69
BACT/ALERT® SA	2	4,43	16,07	10,25	4,43	16,07	10,25
BACT/ALERT® PF Plus	2	8,98	13,80	11,39	8,98	13,80	11,39
<b>Total</b>	<b>8</b>	<b>4,09</b>	<b>16,14</b>	<b>10,11</b>	<b>6,50</b>	<b>14,94</b>	<b>8,90</b>



## 5 UTILISATION DES FLACONS



Obtenir le **nombre total de flacons prélevés par épisode de prélèvement** pour chaque patient et par établissement.

☐ 1 format

### Exemples



Pour modifier le rapport, exporter le en format csv.

Nom du patient	ID patient	ID échantillon	Date de prélèvement	Type de flacon				Total
				BACT/ALERT® SA	BACT/ALERT® SN	BACT/ALERT® FA Plus	BACT/ALERT® FN Plus	
BARABUS, Annick	000471096	201004530701	04/10/2020	1	1			2
		201004530801	04/10/2020			1	1	2
BARRE, Luitgard	000522871	201002525401	02/10/2020			1	1	2
BE-JEHO D'AS, Julio	000708958	201004528901	04/10/2020			1	1	2
		201004529001	04/10/2020			1	1	2
		201005533601	05/10/2020			1	1	2
		201006539001	07/10/2020			1	1	2
		201006539101	06/10/2020			1	1	2
BERNARD, Gérard	000671112	201004529101	04/10/2020			1	1	2
		201004529201	04/10/2020			1	1	2
		201004529301	04/10/2020			1	1	2
		201004529501	04/10/2020			1	1	2
		201005518401	05/10/2020			1	1	2
BERNARD, Charles	000718853	201007049801	07/10/2020	1	1			2

Date de prélèvement



# SUIVI QUALITE DES HEMOCULTURES

## 6 OCCURRENCE DU GERME

Suivre l'évolution du % des flacons contaminés par service et/ou par préleveur.

2 formats

### Exemples

➤ Quelle est mon écologie bactérienne sur une période donnée pour les hémocultures ?



*Sélectionner le type de prélèvement hémoculture*

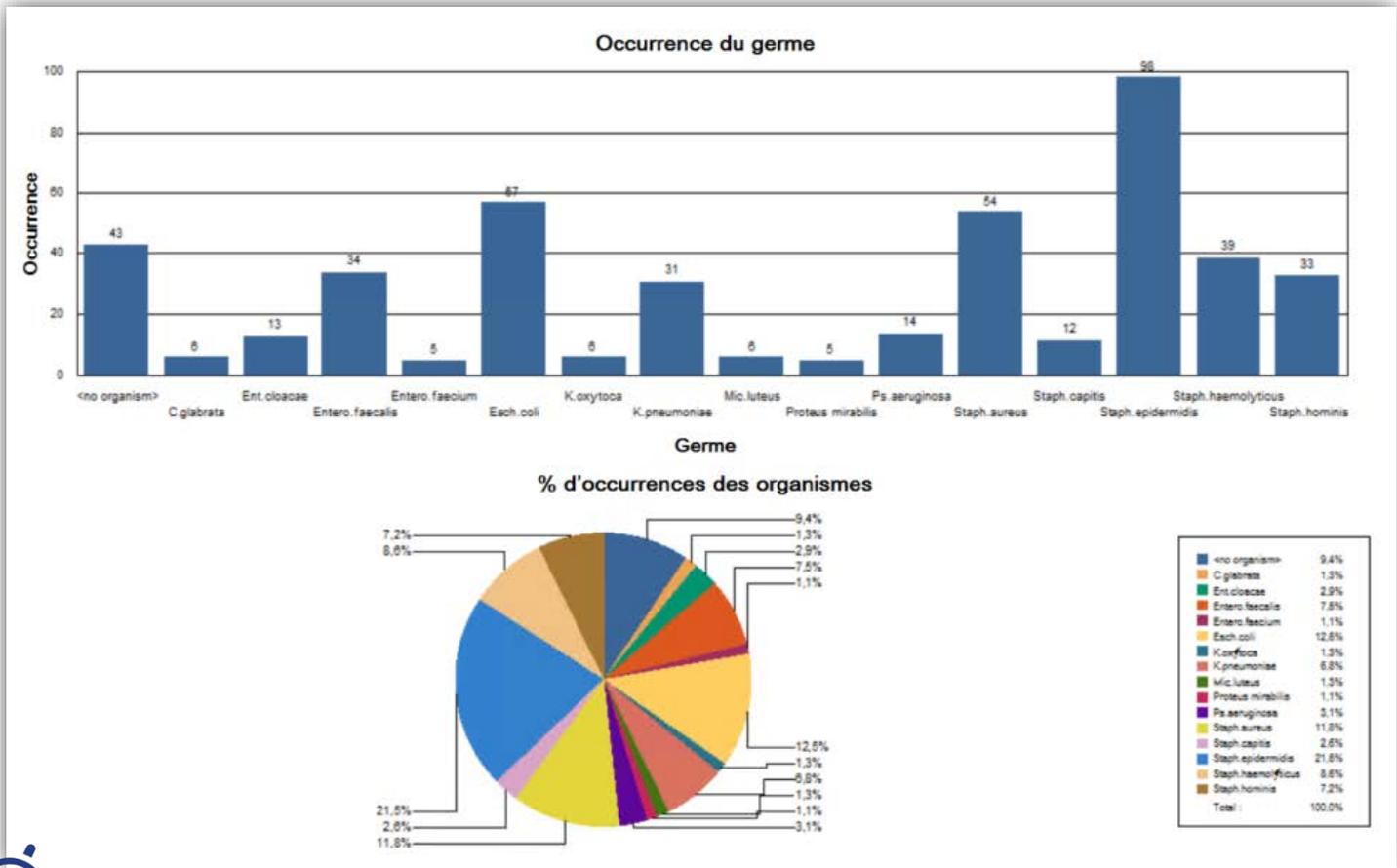
Type d'échantillon

Tout  Sélection

Type de prélèvement

1/21 élément(s) sélectionné(s)

- Hémoculture
- Urines
- Coprocultures
- Génital vaginal



Cliquer sur le diagramme pour obtenir la liste des analyses correspondantes.



## OCCURRENCE DE TESTS

Obtenir la consommation de réactifs suivant les critères de sélection:

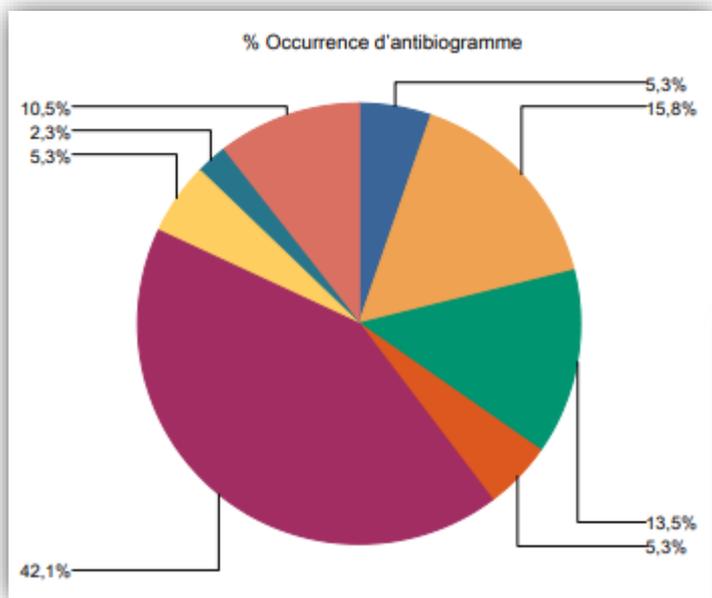
- Cartes d'identifications VITEK®2
- Cartes d'antibiogrammes VITEK®2
- Dépôts VITEK®MS
- Flacons d'hémocultures BACT/ALERT®
- Méthodes manuelles

### Exemples

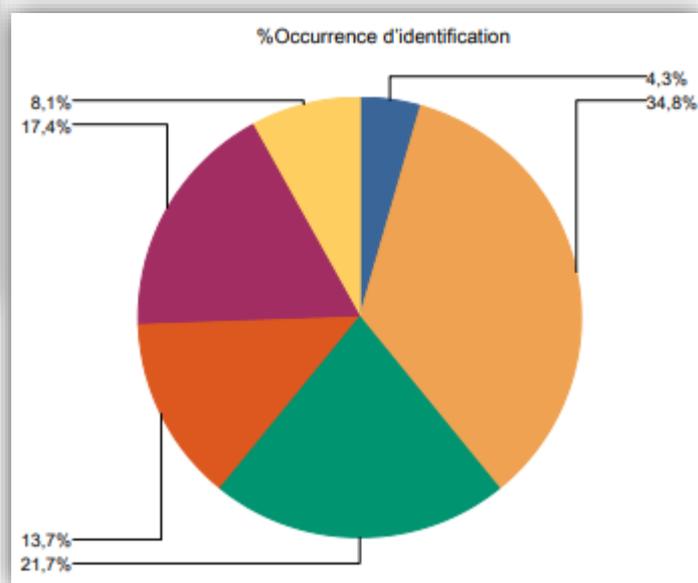
➤ Quelle est ma consommation de réactifs pour les hémocultures sur un établissement et une période donnée ?



	Total	
	Nombre	Total %
BACTALERT® SA	374	56,9%
BACTALERT® SN	283	43,1%
<b>Total</b>	<b>657</b>	



- AST-GN36
- AST-GN66
- AST-GN69
- AST-GN82
- AST-GP67
- AST-GP70
- AST-XN06
- AST-YS05



Cliquer sur le diagramme pour obtenir la liste des analyses correspondantes.



- ANC
- GN
- GP
- YST
- VITEK® MS
- OTHER



## ACTIVITE GLOBALE

 Avoir la proportion de résultats positifs en fonction du type de prélèvement et par établissement .

 1 format par établissement

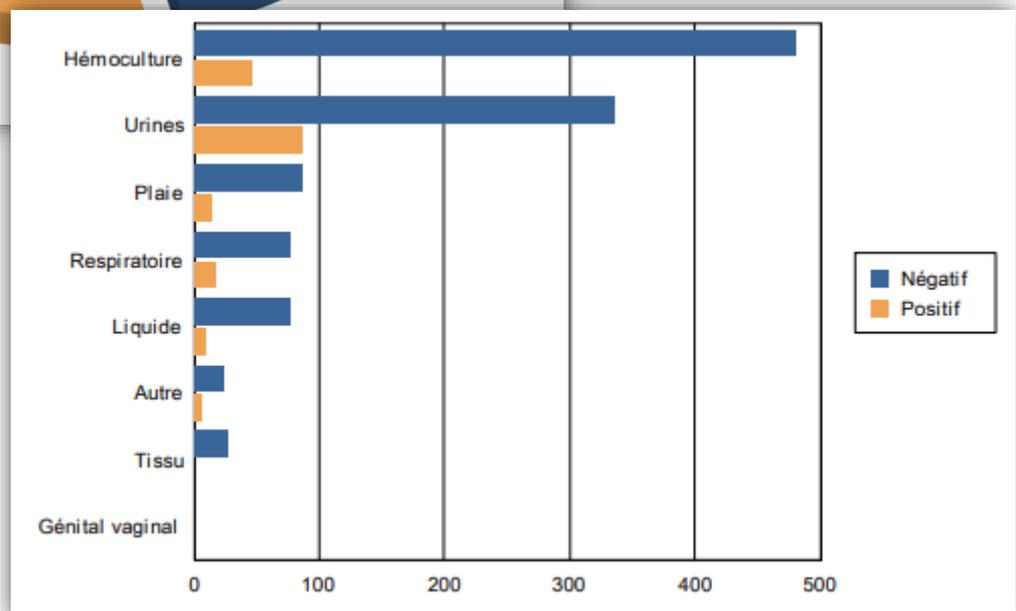
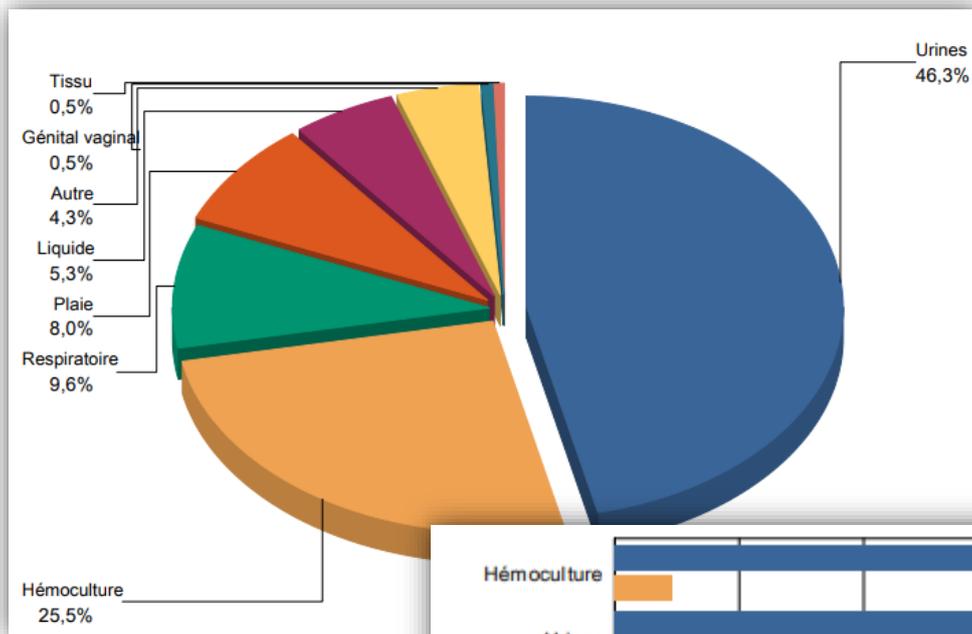
### Exemples

➤ Quel est le pourcentage de résultats positifs par types de prélèvement, sur une période donnée ?

*Analyse des données: sur résultats d'identifications seuls ou avec antibiogramme.*

Règles de rapport

Positif sur présence de:  résultat ID  Résultat d'ID et AST





## ANNEXES:

- ❖ MYLA\_AS\_202011\_INDICATEURS QUALITE HEMOCULTURE V1
- ❖ MYLA\_AS\_201901\_EXPORT CONSOIRES\_V0

